



16-17 ноября 2023 г. в ФГБУ «ВНИИЗЖ» прошла **Научная школа молодых ученых «Генетические технологии в ветеринарии»**, которая проводилась в рамках выполнения III этапа исследовательской программы «Создание комплекса средств защиты против экономически и социально значимых болезней животных на основе отобранных методами геномного секвенирования производственных штаммов микроорганизмов», осуществляемой в рамках реализации отдельных мероприятий Федеральной научно-технической программы развития генетических технологий на 2019-2030 годы, проводимых в рамках федерального проекта «Развитие масштабных научных и научно-технологических проектов по приоритетным исследовательским направлениям» национального проекта «Наука и университеты».

В работе Научной школы в очном формате и в режиме онлайн приняли участие 83 исследователи, преподаватели, студенты, аспиранты из ФГБУ «ВНИИЗЖ» и организаций-соисполнителей данного проекта, всего зарегистрировалось 83 человека, 87% их них составили обучающиеся и исследователи в возрасте до 39 лет.

Ведущими специалистами ФГБУ «ВНИИЗЖ», ФГБУ «ВГНКИ» и ФГБУ НИЦ «Курчатовский институт», принимающими участие в исследовательской программе, были представлены доклады по молекулярной эпизоотологии, метагеномных подходах в диагностике инфекций животных, генно-инженерных технологиях при создании вакцин против особо опасных болезней животных, секвенировании нового поколения и работе с данными секвенирования, по разработке и валидации диагностических ПЦР-тестов.

Для молодых исследователей д.б.н., профессор, член-корреспондент РАН, директор ФГБНУ «ВНИТИБП» А.Д. Забережный рассказал о перспективах развития биотехнологии в ветеринарии, а д.в.н, профессор, проректор по науке инновациям Московской государственной академии ветеринарной медицины и биотехнологии им. К.И. Скрябина Л.А. Гнездилова - о развитии молодежной науки в современной ветеринарии.

На организованном в соответствии с планом-графиком исследовательской программы рабочем месте были проведены практические занятия по биоинформационному анализу данных полногеномного секвенирования на базе Линукс.

Все принявшие участия в работе Научной школы получили Сертификат участника.